

GENOTIPIFICACION VIH

Actualizado en Marzo 2025 por TM Ana María Contreras
Revisado y aprobado por Dra Marcela Ferres.

Código del Examen : 1534

Nombres del Examen : Genotipificación de VIH, estudio genérico para VIH, estudio de resistencia a drogas de VIH

Laboratorios de Procesamiento	Laboratorio	Días de Toma de muestra	Plazo de Entrega de Resultados
	Laboratorio de Infectología y Virología Molecular	Lunes a Jueves de 8:30 a 18:00 hrs. Viernes de 8:30 a 17:00 hrs. Sábado de 9:00 a 15:00 hrs	15 días hábiles

Preparación del Paciente : EL PACIENTE DEBE CONTAR CON UNA CARGA VIRAL >1000 copias/mL, dentro de los tres meses previos a la fecha de toma de muestra.

Muestra Requerida : ■ Sangre (2 tubos EDTA, tapa lila), Plasma 4mL

Muestra Opcional: No Aplica

Estabilidad de la Muestra	Muestra	T° Ambiente (20 - 25 °C)	Refrigerada (2 - 8 °C)	Congelada (-20°C)
	Sangre	6 horas	72 horas	NO
	Plasma	No	72 horas	1 mes

Condiciones de Envío al Laboratorio : Dentro de Santiago y en el día: Dos tubos lila a 4°C con unidad refrigerante.*

Desde fuera de Santiago: Dos tubos lila a 4°C con unidad refrigerante, solo si el tiempo de traslado es menor o igual a 6 horas, desde tomada la muestra hasta el ingreso al laboratorio.

*SOLO se requiere separar el plasma (4ml) si el tiempo de traslado supera las 6 horas de tomada la muestra.

Método Utilizado : PCR y Secuenciación (PSOMAGEN)

Intervalos de Referencia : Alto Nivel de Resistencia
Bajo Nivel de Resistencia
Resistencia Intermedia
Sensible

Valor Crítico : No aplica

Parámetros de Desempeño : Se requiere una carga > 1000 copias/mL plasma.

Información Clínica : Utilizado para el seguimiento de la respuesta a la terapia antirretroviral del paciente con VIH. Muestra las mutaciones específicas o sustituciones de nucleótidos en el genoma del VIH-1, responsables de fenotipos de multirresistencia.

Referencias:

1. Robert W. Shafer, Duane R. Jung, and Bradley J. Betts. (2000) Human immunodeficiency virus type 1 reverse transcriptase and protease mutation search engine for queries. Nature Medicine, 6(11), 1290-1292.



Sistema de Información de Exámenes, SINFEX

2. Woods CK1, Brumme CJ, Liu TF, Chui CK, Chu AL, Wynhoven B, Hall TA, Trevino C, Shafer RW, Harrigan PR. Automating HIV drug resistance genotyping with RECall, a freely accessible sequence analysis tool. J Clin Microbiol. 2012 Jun;50(6):1936-42. doi: 10.1128/JCM.06689-11. Epub 2012 Mar 7.
3. Shafer R., Dupnik K., Winters M., A Guide to HIV-1 Reverse Transcriptase and Protease Sequencing for Drug Resistance Studies. Guide from Division of Infectious Diseases, Stanford University.
4. Interpretación de resultados a través de la base de datos de la Universidad de STANFORD y su algoritmo de Resistencia Genotípica de VIH.